

# INTERPRETATION TABLE

## DQA1 SSP typing

Amplification patterns of the DQA1\*0101 to \*0602 alleles

	Tube <sup>5</sup>															
	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16
Length of spec.	145	170	145	170	220	100	95	65	175	185	215	225	225	125	165	90
PCR product																
Length of int.	515	515	430	430	430	430	430	430	430	430	430	515	515	430	430	430
pos. control <sup>1</sup>																
5'-primer(s) <sup>2</sup>	34	25	34	25	-7	199	25	-7	7	7	-6	99	99	25	34	59
	<sup>5</sup> -Ag g <sup>3</sup> <sup>5</sup> -g TA <sup>3</sup> <sup>5</sup> -Ag C <sup>3</sup> <sup>5</sup> -g TT <sup>3</sup> <sup>5</sup> -CC A <sup>3</sup> <sup>5</sup> -gC A <sup>3</sup> <sup>5</sup> -g TA <sup>3</sup> <sup>5</sup> -CC g <sup>3</sup> <sup>5</sup> -CAC <sup>3</sup> <sup>5</sup> -CAT <sup>3</sup> <sup>5</sup> -g AC <sup>3</sup> <sup>5</sup> -CCC <sup>3</sup> <sup>5</sup> -CCC <sup>3</sup> <sup>5</sup> -g TA <sup>3</sup> <sup>5</sup> -Ag C <sup>3</sup> <sup>5</sup> -C Cg <sup>3</sup>															
								-7								
								<sup>5</sup> -CC g <sup>3</sup>								
3'-primer(s) <sup>3</sup>	69	69	69	69	1 <sup>st</sup> in	218	44	2	52	55	1 <sup>st</sup> in	160	160	53	75	75
	<sup>5</sup> -TgC <sup>3</sup> <sup>5</sup> -TgC <sup>3</sup> <sup>5</sup> -TgC <sup>3</sup> <sup>5</sup> -TgC <sup>3</sup> <sup>5</sup> -TTT <sup>3</sup> <sup>5</sup> -C TT <sup>3</sup> <sup>5</sup> -AgC <sup>3</sup> <sup>5</sup> -T gT <sup>3</sup> <sup>5</sup> -T gT <sup>3</sup> <sup>5</sup> -TCT <sup>3</sup> <sup>5</sup> -TTT <sup>3</sup> <sup>5</sup> -C AT <sup>3</sup> <sup>5</sup> -C Ag <sup>3</sup> <sup>5</sup> -TTg <sup>3</sup> <sup>5</sup> -g AC <sup>3</sup> <sup>5</sup> -g AC <sup>3</sup>															
													160			
													<sup>5</sup> -C Ag <sup>3</sup>			
Tube No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16
DQA1 allele <sup>4</sup>																
*010101-010102	+	+						+					+			
*010201-010203		+	+					+					+			
*010204		+	+										+			
*0103			+	+				+					+			
*010401-010402	+	+			+	+							+			
*0105	+	+			+								+			
*0106		+	+		?	?	+	?					+			
*0107	+	+			?	?		?					+			
*0201								+	+				+			
*030101								+		+			+			
*0302								+		+	+	+				
*0303								+		+		+				
*040101								+					+	+		
*040102								+						+		
*0402								+					+	+		
*0403N								+					+			
*0404								+					+	+		
*050101-050102								+					+	+	+	
*0502								+					+	+	+	+
*0503								+					+	+	+	
*0504								+					+	+	+	
*0505								+					+	+	+	
Tube No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16

Length of spec.	145	170	145	170	220	100	95	65	175	185	215	225	225	125	165	90
PCR product																
Tube No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16
*0506								+					+	+	+	
*0507								+					+	+	+	
*0508								+					+	+	+	
*0509								+					+	+	+	
*060101-060102								+					+			
*0602								+					+			
DQA1 allele <sup>4</sup>																
Tube No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16

# INTERPRETATION TABLE

## DQA1 SSP typing

Amplification patterns of the DQA1\*0101 to \*0602 alleles

Tube <sup>5</sup>																
17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	32	
200	200	205	130	110	120	85	240	175	150	90	105	160	215	100	135	Length of spec.
								275								PCR product
430	430	430	430	430	515	430	430	430	430	430	430	430	430	430	430	Length of int.
																pos. control <sup>1</sup>
107	107	21	21	-13	25	32	up <sup>6</sup>	up <sup>6</sup>	101	53	153	99	102	188	107	5'-primer(s) <sup>2</sup>
5'-C AT <sup>3</sup>	5'-C AT <sup>3</sup>	5'-T CC <sup>3</sup>	5'-T CT <sup>3</sup>	5'-gg A <sup>3</sup>	5'-g TT <sup>3</sup>	5'-gAC <sup>3</sup>	5'-ACT <sup>3</sup>	5'-ACT <sup>3</sup>	5'-ACg <sup>3</sup>	5'-gA T <sup>3</sup>	5'-gT C <sup>3</sup>	5'-CCC <sup>3</sup>	5'-CA g <sup>3</sup>	5'-CT A <sup>3</sup>	5'-C AT <sup>3</sup>	
								34								
								5'-Ag g <sup>3</sup>								
160	160	75	52	1 <sup>st</sup> in	52	47	-13	1	138	69	174	139	160	208	139	3'-primer(s) <sup>3</sup>
5'-AgC <sup>3</sup>	5'-AgA <sup>3</sup>	5'-g AC <sup>3</sup>	5'-TCT <sup>3</sup>	5'-TgC <sup>3</sup>	5'-TCT <sup>3</sup>	5'-ACA <sup>3</sup>	5'-ggC <sup>3</sup>	5'-TTT <sup>3</sup>	5'-T gA <sup>3</sup>	5'-TgT <sup>3</sup>	5'-TC g <sup>3</sup>	5'-gCg <sup>3</sup>	5'-AgA <sup>3</sup>	5'-gCA <sup>3</sup>	5'-A gA <sup>3</sup>	
								79								
								5'-gCA <sup>3</sup>								
17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	32	Tube No.
																DQA1 allele <sup>4</sup>
							+									*010101
							+									*010201
							+									*010204
							+									*0103
							+									*010401
							+									*0105
							+									*0106
							+	+								*0107
							W									*0201
							+									*030101
							+									*0302
							+									*0303
							+	+								*040101
							+	+								*040102
							+	+		+						*0402
							+	+			+					*0403N
							+	+				+				*0404
+		+					+									*050101
?	?	+		?			?									*0502
		+	+				+									*0503
?	?		+	?			?									*0504
+		+		+												*0505
17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	32	Tube No.

200	200	205	130	110	120	85	240	175	150	90	105	160	215	100	135	Length of spec.
								275								PCR product
17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	32	Tube No.
	+	+					+						+			*0506
	+	+					+							+		*0507
+		+		+											+	*0508
+		+		+				W								*0509
					+	+	+									*060101
					+	+	+					+				*0602
																DQA1 allele <sup>4</sup>
17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	32	Tube No.